

ANEXO I. Cebadores utilizados.

Nombre Oligo	SECUENCIA 5'->3'	% GC	Tm	PB Fragmento	PB Cebador
SNCA-002 F	ACGACAGTGTGGTGTAAAGG	50	54,8	519	20
SNCA-002 R	AACATCTGTCAGCAGATCTC	45	51,9		20
PARK2-004 1F	CCACCTACCCAGTGACC	64,7	54,7	820	17
PARK2-004 1R	TGTCACACAGTATAAGTGGAA	38,1	50,9		21
PARK2-004 2F	CGCAACAAATAGTCGGAACA	45	53,4	733	20
PARK2-004 2R	GCGCCCGGCCGCCCTGG	94,1	72,1		17
PINK1-001 1F	CCCCAAGTTTGTGTGACC	52,6	54,1	740	19
PINK1-001 1R	CATCATCTTGATGGCCAAG	47,4	51,1		19
PINK1-001 2F	CCCAGAACCTGGAGGTGA	61,1	56,4	673	18
PINK1-001 2R	CAGCTGCTGAAGGGCAACT	57,9	58,3		19
PINK1-001 3F	CATCCTTGTGGAGCTGGAC	57,9	55,6	708	19
PINK1-001 3R	ATCACGACACAGAGGATGC	52,6	54,7		19
PINK1-001 1bF	GCAGAGGCACCGCCCCAAG	73,7	64,4		19
PINK1-001 1bR	GGTCAGGCCCCCGGCTTGC	77,8	65,1		18
PINK1-001 1cR	GGCCAAGGGGAAGGCAGG	72,2	61,8		18
PARK7-001 1F	GCGTGCTGGCGTGCGTTC	72,2	63,4	679	18
PARK7-001 1R	ATGGATTCCCTAACGGCCTG	52,6	54,6		19
HTRA2-001 1F	GGTGCCGCCTCTGAGTAG	66,7	57,9	799	18
HTRA2-001 1R	ATCAGCTGAGCGTCCCAGA	57,9	58,5		19
HTRA2-001 2F	CTGCTAAGCGGCGACACG	66,7	59,3	825	18
HTRA2-001 2R	TCGGTGCCCTCAGAACCTC	63,2	59,3		19
LRRK2-004 1F	TGAGCAGCGGACGTTTCATG	57,9	58,1	735	19
LRRK2-004 1R	AATGCAGCACATGAAGCAC	47,4	54,2		19
LRRK2-004 2F	GAGAGAGTCTCAGAGGAGC	57,9	53,5	813	19
LRRK2-004 2R	CAGCCACTTCAGGAGAATG	52,6	53,1		19
LRRK2-004 3F	GATGGCCATTTCACAGCTC	57,9	56,4	736	19
LRRK2-004 3R	GGTATAAGCTGGAAACCAG	47,4	50,2		19
LRRK2-004 4F	TCCCTGGAAGGTGCTATGG	57,9	56,5	718	19
LRRK2-004 4R	GACCAAGCCAAGAAGGTTTC	52,6	53,5		19
LRRK2-004 5F	AGGTGACAGCCAGATCATC	52,6	54,2	720	19
LRRK2-004 5R	TTCTGGTGAAGCTCCAGCT	52,6	56,3		19
LRRK2-004 6F	CAGATGATTCACTCAGGTC	47,4	49,8	741	19

LRRK2-004 6R	CTAAAGACCGCAAGTGTGG	52,6	53,6		19
LRRK2-004 7F	CTTGTCTTAAAGTGGAGAG	47,4	49,5	743	19
LRRK2-004 7R	ACGACCTGCAAAATCCAC	52,6	55,8		19
LRRK2-004 8F	GTGGGAAATACTGGGAGTG	52,6	52,6	703	19
LRRK2-004 8R	GAACTGCGTGAGGAAGCTC	57,9	56		19
LRRK2-004 9F	ACAGCTGATTCCAGACTGC	52,6	55	702	19
LRRK2-004 9R	ACTTCAGATCCTACCAGAC	47,4	50,5		19
LRRK2-004 10F	GCTTCCCCATTGTGAGAAC	52,6	53,7	716	19
LRRK2-004 10R	CTTGTCTTAACAGCCTGAG	47,4	50,3		19
LRRK2-004 11F	TTTTGGCTGACCTGCCTAG	52,6	55	738	19
LRRK2-004 11R	TAGGCCATGGGGCACAACC	63,2	60,5		19
LRRK2-004 12F	CACCTGAAGTTGCCAGAGG	57,9	55,8	696	19
LRRK2-004 12R	ACTTGCCATCAGCGGTTC	57,9	58,3		19
LRRK2-004 13F	TGGTACTCTCCTGGTCATC	52,6	53	1013	19
LRRK2-004 14R	TGAGTACCCTTTCCATGTG	47,4	51,6		19

ANEXO II. Hoja de abreviaturas.

aa, aminoácido

ATP, Adenosin trifosfato

BrEt, bromuro de etidio

CI, complejo I de la cadena de electrones

CIII, complejo III

CIV, complejo IV

CV, complejo V

cDNA, DNA complementario

CoQ, coenzima Q

CTE, cadena de transporte de electrones

DMSO, Dimetil-sulfóxido

DNA, ácido desoxirribonucleico

dNTP, desoxirribonucleósido trifosfato

EDTA, ácido etilendiaminotetracético

EP, Enfermedad de Parkinson

GFP, proteína de fluorescencia verde (*Green Fluroescent Protein*)

mRNA, RNA mensajero

mtDNA, DNA mitocondrial

NADH, dinucleótido de nicotinamida y adenina reducido

nDNA, DNA nuclear

nt, nucleótido

OXPHOS, sistema de fosforilación oxidativa

PCR, reacción en cadena de la polimerasa

PCr, fosfocreatina

Rho⁰, células carentes de mtDNA

RING, “*Really Interesting New Gene*”

RNA, ácido ribonucleico

ROS, especies reactivas de oxígeno

rRNA, RNA ribosómico

RT-qPCR, reacción en cadena de la polimeras cuantitativa

SNCA, α -sinucleína

SNP, polimorfismo de nucleótido único

TAE, Tris, ácido acético y Na₂EDTA

TEMED, N,N,N',N'-tetrametil-p-fenilendiamina

TFAM, factor de transcripción mitocondrial

Tm, temperatura melting

tRNA, RNA transferente

WT, cepa salvaje (*Wild Type*)

ANEXO III. Cuantificación de las bandas obtenidas mediante Western Blot.

Banda	Prueba F	Prueba t
HTRA2 banda 49 kDa	0,1586	0,0017*
HTRA2 banda 37 kDa	0,0007	0,0215*
PINK1 banda 63 kDa	0,0146	0,0343*
PINK1 banda 54 kDa	0,9576	0,4156
PINK1 banda 45 kDa	0,2554	0,0029*
LRRK2	0,0424	0,4671
Parkina	0,8683	0,0056*
DJ-1	0,3797	0,0003*

* $p < 0,05$, la diferencia se considera significativa.