

ANEXO

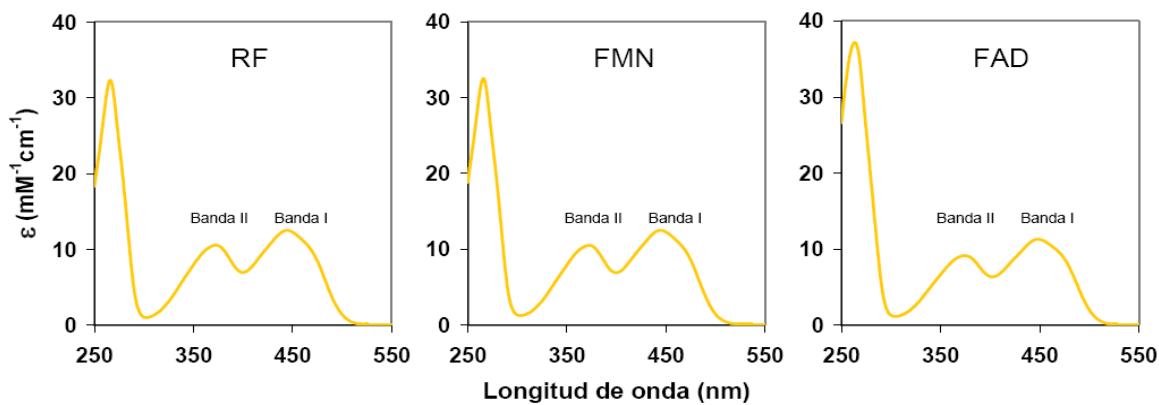


FIGURA 1.1.3. ESPECTROS DE ABSORCION DE RF, FMN Y FAD EN ESTADO OXIDADO NEUTRO.



FIGURA 1.2.1. MODELO ESTRUCTURAL DE LA FADS DE *STREPTOCOCCUS PNEUMONIAE* (SPFADS). EL PREGAMIENTO DEL MÓDULO FMNAT SE MUESTRA EN ROJO Y EL DEL MÓDULO RFK EN AZUL.

Target selection

Search for targets:

ie. PDB code, protein name, sequence, or URL
or upload file (max 5MB)

You or e
PDB data
Name

Ligand selection

Search for ligands:

ie. ZINC AC, ligand name or category (like scaffolds or sidechains), or URL
or upload file (max 5MB)

You

Description

Job name (required):

E-mail address (optional):

Hide extra parameters

Docking type

Definition of the region of interest

X center: Y center: Z center:
X size: Y size: Z size:

Flexibility

Proteína

Ligando/molécula pequeña

Nombre trabajo

E-Mail

FIGURA 3.2.2 DE LA PAGINA DEL SWISSDOCK DONDE SE MUESTRAN CADA UNA DE LAS PARTES PARA ENVIAR UN DOCKING.

CLUSTAL O(1.2.1) multiple sequence alignment

FIGURA 4.1.1.2 : ALINEAMIENTO ESTRUCTURAL ENTRE LA SPFADS Y CAFADS.