

Anexos

Tabla A1. Muestras utilizadas en el estudio. Se detalla la condición de los animales de los que provienen (CIN: ratones Tg501 inoculados con scrapie en fase clínica; CC: ratones control de la fase clínica; PIN: ratones inoculados en fase preclínica; PC: ratones control de preclínicos), el modelo, los días post-infección (DPI) y la edad en los que se sacrificaron, el sexo y las técnicas en las que se han utilizado para cada muestra (H-E: hematoxilina eosina; PET Blot; qPCR).

Muestras	Condición	Modelo murino	DPI	Edad	Sexo	Técnicas		
						Tinción H-E	PET Blot	qPCR
E1	CIN	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
E2	CIN	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
E3	CIN	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
E4	CIN	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
E5	CIN	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
F1	CC	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
F2	CC	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
F3	CC	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
F4	CC	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
F5	CC	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
F6	CC	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
F7	CC	Tg501	200	250	Hembra	NO	NO	SI
G1	PIN	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
G2	PIN	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
G3	PIN	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
G4	PIN	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
G5	PIN	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
G6	PIN	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
H1	PC	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
H2	PC	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
H3	PC	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
H4	PC	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
H5	PC	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI
H6	PC	Tg501	50	100	Hembra	NO	NO	SI

Tabla A2. Muestras utilizadas en el estudio. Se detalla la condición de los animales de los que provienen (CIN: ratones Tg338 inoculados con scrapie en fase clínica; CC: ratones control de la fase clínica; PIN: ratones inoculados en fase preclínica; PC: ratones control de preclínicos), el modelo, los días post-infección (DPI) y la edad en los que se sacrificaron, el sexo y las técnicas en las que se han utilizado para cada muestra (H-E: hematoxilina eosina; PET Blot; qPCR).

Muestras	Condición	Modelo murino	DPI	Edad	Sexo	Técnicas		
						Tinción H-E	PET Blot	qPCR
A1	CIN	Tg338	191	238	Hembra	SI	SI	SI
A3	CIN	Tg338	162	209	Hembra	SI	SI	SI
A4	CIN	Tg338	191	238	Hembra	SI	SI	SI
A6	CIN	Tg338	158	205	Hembra	SI	SI	SI
B1	CC	Tg338	191	238	Hembra	SI	SI	SI
B2	CC	Tg338	191	238	Hembra	SI	NO	SI
B3	CC	Tg338	191	238	Hembra	SI	NO	SI
B4	CC	Tg338	191	238	Hembra	SI	NO	SI
B5	CC	Tg338	191	238	Hembra	SI	NO	SI
B6	CC	Tg338	191	238	Hembra	SI	NO	SI
C1	PIN	Tg338	136	187	Hembra	SI	SI	SI
C2	PIN	Tg338	136	187	Hembra	SI	SI	SI
C3	PIN	Tg338	136	187	Hembra	SI	SI	SI
C4	PIN	Tg338	136	187	Hembra	SI	SI	SI
D1	PC	Tg338	136	187	Hembra	SI	NO	SI
D2	PC	Tg338	136	187	Hembra	NO	NO	SI
D3	PC	Tg338	136	187	Hembra	SI	NO	SI
D4	PC	Tg338	136	187	Hembra	SI	NO	SI
D5	PC	Tg338	136	187	Hembra	SI	NO	SI
D6	PC	Tg338	136	187	Hembra	SI	SI	SI

Protocolo A3. Tinción de hematoxilina-eosina (H-E).

- Xilol 2 x 4 min.
- Xilol 4 min.
- Alcohol 100% 2 x 1 min
- Alcohol 96% 1 min
- Alcohol 70% 1 min
- Agua del grifo 1 min
- Hematoxilina 5 min
- Agua del grifo 1 min
- Alcohol ácido 0,5% 2 min
- Eosina 2 min
- Alcohol 100% 2 x 1 min
- Xilol 1 min
- Xilol 5 min
- Montar en DPX (Dako)

Protocolo A4. Desparafinado y rehidratado de las membranas del PET Blot.

- Tolueno/Xileno 2 x 5 min
- Isopropanol (2-propanol) 2 x 5 min
- Alcohol 96% 2 x 5 min
- Alcohol 80% 2 x 5 min
- agua corriente 1 x 5 min
- Wash Buffer (Dako) 1 x 5 min
- TBST (10 mM Tris HCl, pH 7.8, 100 mM NaCl, 0.05% Tween 20) 1 x 10 min

Tabla A5. Estudio estadístico de los miRNAs objeto de estudio en ratones Tg501 en fase clínica pertenecientes al grupo control (azul) y al grupo de inoculados por scrapie (naranja). Se recoge información acerca de la media del valor ΔCt , su desviación estándar [SD ΔCt], el valor $\Delta\Delta\text{Ct}$, el valor $2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$, los límites superiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$] e inferiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$] de las barras de error y el valor de p [la prueba t de Student].

CONTROL						
miRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$
146a-5p	-0,66	1,06	0,00	1,00	1,09	0,52
3085-3p	1,46	0,21	0,00	1,00	0,16	0,14
342-3p	-2,80	0,97	0,00	1,00	0,96	0,49
7b-5p	-6,88	0,46	0,00	1,00	0,37	0,27
667-3p	-2,21	0,41	0,00	1,00	0,33	0,25
7046-3p	2,23	0,96	0,00	1,00	0,94	0,49
301a-3p	0,00	1,44	0,00	1,00	1,71	0,63
331-3p	-2,00	0,20	0,00	1,00	0,15	0,13
21a-5p	-3,06	0,82	0,00	1,00	0,77	0,43
223-3p	-0,80	0,45	0,00	1,00	0,37	0,27

INOCULADOS							
miRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$	Valor de p
146a-5p	-1,53	0,22	-0,87	1,83	0,30	0,26	0,07
3085-3p	1,47	0,33	0,01	1,00	0,25	0,20	0,97
342-3p	-1,55	0,23	1,25	0,42	0,07	0,06	0,014
7b-5p	-6,89	0,41	0,00	1,00	0,33	0,25	0,99
667-3p	-2,07	0,40	0,14	0,91	0,29	0,22	0,56
7046-3p	2,54	0,92	0,31	0,81	0,72	0,38	0,59
301a-3p	-0,10	1,08	-0,11	1,08	1,20	0,57	0,88
331-3p	-1,93	0,12	0,07	0,95	0,08	0,07	0,45
21a-5p	-2,98	0,80	0,08	0,94	0,70	0,40	0,87
223-3p	-0,94	0,37	-0,14	1,10	0,32	0,25	0,57

Tabla A6. Estudio estadístico de los miRNAs objeto de estudio en ratones Tg501 en fase preclínica pertenecientes al grupo control (azul) y al grupo de inoculados por scrapie (naranja). Se recoge información acerca de la media del valor ΔCt , su desviación estándar [SD ΔCt], el valor $\Delta\Delta\text{Ct}$, el valor $2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$, los límites superiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$] e inferiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$] de las barras de error y el valor de p [la prueba t de Student].

CONTROL						
MiRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$
223-3p	-0,12	0,36	0	1	0,28	0,22

INOCULADOS							
miRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$	Valor de p
223-3p	0,44	0,35	0,56	0,68	0,19	0,15	0,0210

Tabla A7. Estadística descriptiva de cada miRNA del estudio en ratones Tg501 en fase clínica. Ct<32 indica el número de muestras donde el miRNA correspondiente era expresado a niveles suficientes para llevar a cabo la cuantificación. La normalidad, la varianza y la significancia fueron evaluadas con un valor de $\alpha=0.05$. Grupos: C, control; I, inoculado con scrapie. Df, grados de libertad; SW, Shaphiro-Wilk.

Nombre miRNA	miR-146a-5p		miR-3085-3p		miR-342-3p		miR-7b-5p		miR-667-3p		miR-7046-3p		miR-301a-3p		miR-331-3p		miR-21a-5p		miR-223-3p		
Grupo	C	I	C	I	C	I	C	I	C	I	C	I	C	I	C	I	C	I	C	I	
Nº de muestras	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	
Ct<32	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	7	5	
Normalidad																					
df	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	
Valor de p SW	0.094	0.723	0.206	0.782	0.087	0.777	0.968	0.205	0.742	0.144	0.799	0.040	0.028	0.099	0.817	0.526	0.245	0.113	0.848	0.214	
Distribución normal	SI	SI	SI	SI	SI	SI	SI	SI	SI	SI	SI	NO	NO	SI	SI	SI	SI	SI	SI	SI	
Varianzas																					
Valor de p test de Levene	0.144		0.659		0.102		0.419		0.443		0.584		0.546		0.238		0.584		0.429		
Igualdad de varianzas	SI		SI		SI		SI		SI		SI		SI		SI		SI		SI		
Significancia																					
Prueba t de Student	0.07		0.97		0.014		0.99		0.56		0.59		0.88		0.45		0.87		0.57		
Test Mann Whitney											0.534		0.445								

Tabla A8. Estadística descriptiva de cada miRNA del estudio en ratones Tg501 en fase preclínica. Ct<32 indica el número de muestras donde el miRNA correspondiente era expresado a niveles suficientes para llevar a cabo la cuantificación. La normalidad, la varianza y la significancia fueron evaluadas con un valor de $\alpha=0.05$. Grupos: C, control; I, inoculado con scrapie. Df, grados de libertad; SW, Shaphiro-Wilk.

Nombre miRNA	miR-223-3p	
Grupo	C	I
Nº de muestras	6	6
Ct<32	6	6
Normalidad		
Df	4	4
Valor de p SW	0.294	0.339
Distribución normal	SI	SI
Varianzas		
Valor de p test de Levene	0.667	
Igualdad de varianzas	SI	
Significancia		
Prueba t de Student	0.0210	

Tabla A9. Cuantificación de RNA de las muestras de MEC de ratones Tg338 en fase clínica.

ID Ratón	Condición	[RNA] (ng/ μ l)	Abs _{260/280}	Abs _{260/230}
A1	Inoculado	58,61	1,59	0,92
A3	Inoculado	35,67	1,74	0,79
A4	Inoculado	38,01	1,65	0,82
A6	Inoculado	39,72	1,62	0,93
B1	Control	76,59	1,59	0,88
B2	Control	18,01	1,64	1,48
B3	Control	22,31	1,54	0,44
B4	Control	17,90	1,79	0,83
B5	Control	88,54	1,78	1,39
B6	Control	98,91	1,49	0,73

Tabla A10. Cuantificación de RNA de las muestras de MEC de ratones Tg338 en fase preclínica.

ID Ratón	Condición	[RNA] (ng/ μ l)	Abs _{260/280}	Abs _{260/230}
C1	Inoculado	34,72	2,07	2,02
C2	Inoculado	25,6	2,12	1,72
C3	Inoculado	37,79	2,08	2,08
C4	Inoculado	32,37	2,11	2,06
D1	Control	56,11	2,09	2,03
D2	Control	49,7	2,05	1,75
D3	Control	50,22	2,04	2,11
D4	Control	37,52	1,97	1,92
D5	Control	57,81	2,03	2,11
D6	Control	41,31	2,04	2,08

Tabla A11. Estudio estadístico de los miRNAs objeto de estudio en ratones Tg338 en fase clínica pertenecientes al grupo control (azul) y al grupo de inoculados por scrapie (naranja). Se recoge información acerca de la media del valor ΔCt , su desviación estándar [$\text{SD } \Delta\text{Ct}$], el valor $\Delta\Delta\text{Ct}$, el valor $2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$, los límites superiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$] e inferiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$] de las barras de error y el valor de p [la prueba t de Student].

CONTROL						
miRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$
146a-5p	-2,53	1,16	0,00	1,00	1,23	0,55
3085-3p	1,52	0,63	0,00	1,00	0,55	0,36
342-3p	-4,76	0,99	0,00	1,00	0,98	0,50
7b-5p	-6,06	0,54	0,00	1,00	0,45	0,31
667-3p	-2,29	0,64	0,00	1,00	0,56	0,36
7046-3p	3,96	0,91	0,00	1,00	0,88	0,47
301a-3p	-0,47	0,48	0,00	1,00	0,40	0,29
331-3p	-3,24	1,07	0,00	1,00	1,10	0,52
21a-5p	0,37	0,74	0,00	1,00	0,66	0,40
223-3p	0,67	0,52	0,00	1,00	0,43	0,30

INOCULADOS							
miRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$	Valor de p
146a-5p	-2,74	0,57	-0,21	1,16	0,56	0,38	0,70
3085-3p	1,64	0,48	0,12	0,92	0,37	0,26	0,72
342-3p	-4,13	0,35	0,63	0,65	0,18	0,14	0,19
7b-5p	-6,22	0,36	-0,16	1,11	0,31	0,24	0,57
667-3p	-1,54	0,36	0,75	0,60	0,17	0,13	0,04
7046-3p	4,48	0,34	0,53	0,69	0,18	0,14	0,23
301a-3p	-0,41	0,89	0,06	0,96	0,82	0,44	0,89
331-3p	-2,66	0,50	0,58	0,67	0,27	0,19	0,27
21a-5p	0,40	0,98	0,03	0,98	0,94	0,48	0,95
223-3p	0,87	0,77	0,20	0,87	0,62	0,36	0,61

Tabla A12: Estudio estadístico de los miRNAs objeto de estudio en ratones Tg338 en fase preclínica pertenecientes al grupo control (azul) y al grupo de inoculados con scrapie (naranja). Se recoge información acerca de la media del valor ΔCt , su desviación estándar [SD ΔCt], el valor $\Delta\Delta\text{Ct}$, el valor $2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$, los límites superiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$] e inferiores [$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$] de las barras de error y el valor de p [la prueba t de Student].

CONTROL						
miRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$
223-3p	0,46	0,32	0	1	0,25	0,20
369-5p	1,10	0,30	0	1	0,23	0,19

INOCULADOS							
miRNA	Media ΔCt	SD ΔCt	$\Delta\Delta\text{Ct}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}+\text{SD})}$	$2^{(-\Delta\Delta\text{Ct}-\text{SD})}$	Valor de p
223-3p	0,27	0,39	-0,19	1,14	0,35	0,27	0,45
369-5p	1,11	0,16	0,01	0,99	0,12	0,10	0,96

Tabla A14. Estadística descriptiva de cada miRNA del estudio en ratones Tg338 en fase preclínica. Ct<32 indica el número de muestras donde el miRNA correspondiente era expresado a niveles suficientes para llevar a cabo la cuantificación. La normalidad, la varianza y la significancia fueron evaluadas con un valor de $\alpha=0.05$. Grupos: C, control; I, inoculado con scrapie. Df, grados de libertad; SW, Shapiro-Wilk.

Nombre miRNA	miR-223-3p	
Grupo	C	I
Nº de muestras	6	4
Ct<32	6	4
Normalidad		
Df	4	4
Valor de p SW	0.944	0.339
Distribución normal	SI	SI
Varianzas		
Valor de p test de Levene	0.390	
Igualdad de varianzas	SI	
Significancia		
Prueba t de Student	0.450	

Tabla A15. Valoración semicuantitativa (de 0 a 5) del grado de lesiones espongiiformes en las distintas áreas del cerebro - corteza frontal (CF), área septal (AS), corteza talámica (CT), hipocampo (Hc), tálamo (Tal), hipotálamo (Ht), cóliculo (Col), cerebelo (Cb) y médula oblongada (MO)- de los ratones en distintas condiciones (CIN: ratones Tg338 inoculados con scrapie en fase clínicos; CC: ratones control de la fase clínica; PIN: ratones inoculados en fase preclínica; PC: ratones control de preclínicos). La última columna representa el promedio de todas las regiones del encéfalo de cada ratón. NV=área no valorada.

ID ratón	Condición	Área del encéfalo									
		CF	CT	AS	Hc	Tal	Ht	Col	Cb	MO	Espongiosis
A1	CIN	1,00	1,50	1,00	1,50	3,50	4,00	3,50	0,25	4,00	2,25
A3	CIN	1,50	2,00	3,00	1,00	4,00	5,00	5,00	0,25	5,00	2,97
A4	CIN	1,00	1,00	3,00	1,00	4,00	4,50	4,50	0	4,50	2,61
A6	CIN	2,00	1,00	3,00	1,00	4,00	3,00	4,00	0,75	4,50	2,58
B1	CC	0,00	1,00	1,00	NV	1,00	0,00	1,00	0,25	2,00	0,78
B2	CC	1,00	0,50	0,00	0,00	1,00	1,00	1,00	0,125	1,00	0,63
B3	CC	0,50	0,00	0,00	0,00	1,00	1,00	1,00	0,25	1,00	0,53
B4	CC	0,00	1,00	0,00	NV	1,00	1,00	1,00	0,375	1,00	0,67
B5	CC	1,00	1,00	0,00	0,50	1,00	1,50	1,50	NV	1,50	1,00
B6	CC	0,00	0,00	0,00	0,00	1,00	1,00	NV	0,25	NV	0,32
C1	PIN	1,00	1,00	1,00	0,00	1,00	1,00	1,00	0	1,00	0,78
C2	PIN	1,00	1,00	0,50	0,00	1,00	1,00	1,50	0,25	2,00	0,92
C3	PIN	1,00	1,00	0,00	0,00	2,00	1,00	2,00	0,25	3,00	1,14
C4	PIN	1,00	1,00	1,50	1,50	2,50	2,00	2,50	0,25	3,00	1,69
D1	PC	1,00	1,50	0,50	0,00	1,00	0,50	1,50	0	1,00	0,78
D2	PC	1,00	0,00	1,00	0,50	1,00	1,50	2,00	0,25	2,50	1,08
D3	PC	0,00	1,00	0,00	NV	1,50	1,00	1,50	0,375	2,00	0,92
D4	PC	0,00	0,50	0,00	0,00	1,00	0,00	1,50	0	NV	0,38
D5	PC	1,00	1,00	0,00	0,00	1,50	1,00	1,00	0,25	1,50	0,81
D6	PC	1,00	1,00	NV	0,50	1,00	1,50	1,50	0,125	1,50	1,02

Tabla A16: Promedio, desviación estándar (SD) y barras de errores de la valoración semicuantitativa del grado de lesión espongiiforme de las distintas regiones del cerebro de los ratones Tg338 en las distintas condiciones (CIN: ratones Tg338 inoculados con scrapie en fase clínica; CC: ratones control de la fase clínica; PIN: ratones inoculados en fase preclínica; PC: ratones control de preclínicos).

Promedio	Áreas del encéfalo								
Condición	CF	CT	AS	Hc	Tal	Ht	Col	Cb	MO
PC	0,7	0,8	0,3	0,2	1,2	0,9	1,5	0,2	1,7
PIN	1,0	1,0	0,8	0,4	1,6	1,3	1,8	0,2	2,3
CC	0,4	0,6	0,2	0,1	1,0	0,9	1,1	0,3	1,3
CIN	1,5	1,5	2,5	1,2	4,1	4,3	4,3	0,4	4,4

SD	Áreas del encéfalo								
Condición	CF	CT	AS	Hc	Tal	Ht	Col	Cb	MO
PC	0,52	0,52	0,45	0,27	0,26	0,58	0,32	0,15	0,57
PIN	0,00	0,00	0,65	0,75	0,75	0,50	0,65	0,13	0,96
CC	0,49	0,49	0,41	0,25	0,00	0,49	0,22	0,09	0,45
CIN	0,50	0,50	1,00	0,27	0,49	0,75	0,61	0,26	0,38

Barras de error	Áreas del encéfalo								
Condición	CF	CT	AS	Hc	Tal	Ht	Col	Cb	MO
PC	0,21	0,21	0,18	0,11	0,11	0,24	0,13	0,06	0,23
PIN	0,00	0,00	0,32	0,38	0,38	0,25	0,32	0,06	0,48
CC	0,20	0,20	0,17	0,10	0,00	0,20	0,09	0,04	0,18
CIN	0,20	0,20	0,41	0,11	0,20	0,31	0,25	0,11	0,15

Tabla A18: Promedio, desviación estándar (SD) y barras de errores de la valoración semicuantitativa del depósito de PrP^{Sc} de las distintas regiones del cerebro de los ratones Tg338 en las distintas condiciones (CIN: ratones Tg338 inoculados con scrapie en fase clínica; CC: ratones control de la fase clínica; PIN: ratones inoculados en fase preclínica; PC: ratones control de preclínicos).

Promedio	Áreas del encéfalo									
Condición	CF	CT	AS	Hc	Tal	Ht	Col	Cb	MO	
PC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
PIN	0,25	0,00	0,25	0,00	0,00	0,13	0,25	0,13	0,00	
CC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
CIN	1,75	1,58	1,75	1,42	1,67	2,33	3,40	1,50	2,00	

SD	Áreas del encéfalo									
Condición	CF	CT	AS	Hc	Tal	Ht	Col	Cb	MO	
PC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
PIN	0,50	0,00	0,50	0,00	0,00	0,25	0,50	0,25	0,00	
CC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
CIN	0,99	0,80	0,99	0,80	0,52	1,03	1,34	0,84	1,87	

Barras de error	Áreas del encéfalo									
Condición	CF	CT	AS	Hc	Tal	Ht	Col	Cb	MO	
PC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
PIN	0,25	0,25	0,00	0,00	0,00	0,13	0,25	0,13	0,00	
CC	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
CIN	0,40	0,40	0,33	0,33	0,21	0,42	0,55	0,34	0,76	

