

A

Appendix 1

Results table for the PCR amplification and multiplex PCR.

Legend	
no visible	nv
States	
Anambara	AN
Benue	BN
Ebonyi	EB
Enugu	Enp-End
Enugu	End-Eng
Imo	IM
Kogi	KG
Lagos	LG
Osun	OS
Rivers	RV
Taraba	TB1
Taraba	TB2

Table A.1: Legend for the results table

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinFI	Species
1	AN	Y	500					nv
2	AN	Y	500		350	500	600 ?	Candida ?
3	AN	Y	650	90	600	700	700	pombe
4	AN	Y	500					nv
5	AN	Y	450					nv
6	AN	Y	750					nv
7	AN	Y	450	-		320	300	S. cerevisiae
8	AN	N	800	-		320	400	Candida ?
9	AN	Y	450					nv
10	AN	Y	500		300	500		Candida ?
11	AN	N	750	150	400	320	400	S. cerevisiae
12	AN	Y	500					nv
13	AN	N	750	90	400	320	400	S. cerevisiae
14	AN	N	900	150				nv
15	AN	N	750	150	400	320	400	S. cerevisiae
16	AN	N	750	150	400	320	400	S. cerevisiae
17	AN	N	650	90				nv
18	AN	N	900	150				nv
19	AN	N	nv		300			?
20	AN	Y	450				250	?
21	AN	N	800	90	400	320	400	S. cerevisiae
22	AN	N	800	150	400		400	?
23	AN	N	800	150				nv
24	AN	Y	500					nv
25	AN	Y	500		275	500		Candida ?
26	AN	Y	400		275	400	700	Candida ?
27	AN	N	800	150	400	320	400	S. cerevisiae
28	AN	N	800	150	400	320	400	S. cerevisiae
29	AN	Y	450		275			?
30	AN	N	450		275			?
31	AN	N	900	349				nv
32	AN	Y	550					nv
33	AN	Y	500		250	500	600	Candida ?
34	AN	Y	500		250	400	250	Candida ?
35	AN	Y	500		200	475	230	Candida ?
36	AN	N	1000	150				nv
37	AN	N	1000	-	300	320	400	Candida?

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinFI	Species
38	AN	N	1000	nv	300	320	400	<i>S. cerevisiae</i>
39	AN	Y	500		100	350	275	?
40	AN	Y	500					nv
41	AN	N	1000	-				nv
42	AN	Y	650	150	100			?
43	AN	Y	500					nv
44	AN	N	1000	150				nv
45	AN	N	1000	150		320	400	<i>S. cerevisiae</i>
46	AN	N	1000	150		320	400	<i>S. cerevisiae</i>
47	AN	N	1000	150	300	320	400	<i>S. cerevisiae</i>
48	AN	N	1000	150				nv
49	AN	Y	500		150	350	275	?
50	AN	Y	650	349				nv
51	AN	N	1000	150	350	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
52	AN	N	1000	150				nv
53	AN	Y	750	150	600	500	300	<i>Saccharomyces capsularis?</i>
54	AN	N	1000	90	350	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
55	AN	Y	750	150	600	500	300	<i>Saccharomyces capsularis?</i>
56	AN	N	1000	150		320	350	<i>S. cerevisiae</i>
57	AN	Y	500		275	700	350	?
58	AN	N	1000	1000				nv
59	AN	N	600					nv
60	AN	N	900	nv				nv
61	AN	N	900	150				nv
62	AN	N	500					nv
63	AN	Y	1000	90	250	500		?
64	AN	Y	1000	150	275			?
65	AN	Y	250		350	700	350	?
66	AN	N	900	150	350		400	?
67	AN	N	550					nv
68	AN	N	750	90				nv
69	AN	N	750	90	400			?
70	AN	N	900	150		320	400	<i>S. cerevisiae</i>
71	AN	N	400		350			?
72	AN	N	750	150		500		<i>Saccharomyces capsularis?</i>
73	AN	N	400					nv
74	AN	N	700	150		320	400	<i>S. cerevisiae</i>

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
81	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
82	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
83	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
84	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
85	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
86	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
87	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
88	BN	N	600		-		-	nv
89	BN	N	600		-		-	nv
90	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
91	BN	N	500		-		-	nv
92	BN	N	600		-		-	nv
93	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
94	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
95	BN	N	800	150	-		-	nv
96	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
97	BN	N	800	150	-		-	nv
98	BN	N	800	150	-		-	nv
99	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
100	BN	N	800	150	-		-	nv
101	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
102	BN	N	800	150	-		-	nv
103	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
104	BN	N	800	150	-		-	nv
105	BN	N	900	150	-		-	nv
106	BN	N	800	150	-		-	nv
107	BN	N	800	150	-		-	nv
108	BN	N	800	150	-		-	nv
109	BN	N	900	150	-		-	nv
110	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
111	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
112	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
113	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
114	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
115	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
116	BN	Y	500		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
117	BN	Y	500		-	500	-	<i>Candida tropicalis</i>

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
118	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
119	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
120	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
121	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
122	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
123	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
124	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
125	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
126	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
127	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
128	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
129	BN	N	800	150?	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
130	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
131	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
132	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
133	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
134	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
135	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
136	BN	N	800	150?	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
137	BN	N	1000	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
138	BN	Y	500	150	-	350	-	<i>Hasenmulla mrakii</i> / <i>Pichia</i> species
139	BN	Y	500	150	-	350	-	<i>Hasenmulla mrakii</i> / <i>Pichia</i> species
140	BN	N	900	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
141	BN	Y	500		-		-	nv
142	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
144	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
145	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
146	BN	N	800	500	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
147	BN	Y	500		-		-	<i>Hasenmulla mrakii</i> / <i>Pichia</i> species
148	BN	Y	500		-		-	<i>Hasenmulla mrakii</i> / <i>Pichia</i> species
149	BN	N	900	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
150	BN	Y	900	150	-	800	-	<i>Candida</i>
151	BN	N	900	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
152	BN	N	900	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
153	BN	N	900	349	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
154	BN	Y	800	150	-	700	-	<i>Candida</i>
155	BN	Y	800	150	-	800	-	<i>Candida</i>

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
156	BN	N	800	150	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
157	BN	N	800	349	-	320	-	<i>S. cerevisiae</i>
158	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
159	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
160	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
165	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
166	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
167	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
168	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
169	BN	Y	600		-	600	-	<i>Candida</i>
170	BN	Y	600		-	600	-	<i>Candida</i>
171	BN	Y	600		-	400	-	<i>Candida tropicalis</i>
172	BN	Y	600		-	450	-	<i>Candida tropicalis</i>
173	BN	Y	500		-		-	iv
174	BN	N	800	349	-		-	iv
175	BN	N	500		-		-	iv
176	BN	N	900	150	-		-	iv
177	EB	Y	800	150	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>
178	EB	Y	500		250	350	220	<i>Pichia</i>
179	EB	N	500		250	350	220	<i>Pichia</i>
180	EB	Y	500		250	350	220	<i>Pichia</i>
181	EB	Y	500		130	320	250	<i>P. fermentans</i>
182	EB	Y	500		275	375	250	<i>C. sake</i>
183	EB	N	800	150	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>
184	EB	Y	500		iv	iv	iv	iv
185	EB	Y	500		iv	iv	iv	iv
186	EB	Y	450		280	375	250	<i>C. sake</i>
187	EB	N	800	150	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>
188	EB	N	800	349	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>
189	EB	N	800	349	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>
190	EB	Y	500		280	375	250	<i>C. sake</i>
191	EB	N	800	349	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>
192	EB	Y	500		280	450	250	<i>Candida</i>
193	EB	N	750	150	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>
194	EB	Y	500		iv	iv	iv	iv
195	EB	Y	500		130	320	250	<i>Pichia</i>
196	EB	N	800	150	380	320	365	<i>S. cerevisiae</i>

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
197	EB	Y	500		280	400	250	C. tropicalis
198	EB	Y	500		280	400	250	C. tropicalis
199	EB	Y	500		nv	nv	nv	nv
200	EB	Y	500		280	375	250	C. sake
201	EB	Y	500		280	400	250	C. tropicalis
202	EB	N	500		nv	320?	270	?
203	EB	Y	800	150	nv	320	270	S. cerevisiae
204	EB	Y	800	349	nv	nv	270	?
205	EB	Y	500		nv	450	nv	Candida
206	EB	N	500		nv	450	nv	Candida
207	EB	N	500		250	450	nv	Candida
208	EB	N	900	150	350	320	390	S. cerevisiae
209	EB	Y	800	150	nv	450	300	?
210	EB	Y	500		300	450	300	Candida
211	EB	N	500		300	500	300	Candida maltosa
212	EB	Y	500		300	300	300	?
213	EB	N	500		300	500	300	Candida maltosa
214	EB	N	500		300	500	300	Candida maltosa
215	EB	N	500		300	500	300	Candida maltosa
216	EB	N	800	150	300	450	410	S. Bayanus
217	EB	Y	800	150	nv	450	410	S. Bayanus
218	EB	Y	800	???	380	300	365	?
219	EB	Y	800	150	170	300	310	?
220	EB	Y	500		300	900	nv	?
221	EB	Y	750	150	280	350	310	?
222	EB	Y	500	150	300	400	250	C. tropicalis
223	EB	N	650	150	280	500	410	?
224	EB	Y	650	150	400	nv	500	?
225	EB	N	800	150	400		410	?
227	EB	N	800	?	nv	500	500	?
228	EB	N	800	150	400	320	275	S. cerevisiae
230	EB	N	nv		280		410	?
231	EB	N	800	150	280	320	410	S. cerevisiae
232	EB	N	900	150	380	320	410	S. cerevisiae
233	EB	Y	900	150	380	320	375	S. cerevisiae
234	EB	N	900	150	380	320	250	S. cerevisiae
235	EB	N	900	150	380	320	375	S. cerevisiae

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
236	EB	Y	500		250	375	250	C. sake
237	EB	N	800	150	380	400	275	?
238	EB	Y	500		150	375	275	Pichia
239	EB	Y	500		250	375		C. sake
240	EB	N	800	150	380	400		?
241	EB	Y	500		250	375	250	C. sake
242	EB	N	800	150	380	400	275	?
243	EB	Y	500		250	375	250	C. sake
244	EB	Y	500		250	400	275	C. Tropicalis
245	EB	Y	800	150	300	400	275	?
246	EB	N	800	150	380	320	375	S. cerevisiae
247	EB	Y	500		380	375	275	Pichia
248	EB	Y	800	349	380	320		S. cerevisiae
249	Enp	N	900	349	375	320		S. cerevisiae
250	Enp	N	800	349	375	320		S. cerevisiae
251	Enp	N	800	349	375	320		S. cerevisiae
252	Enp	N	800	349	375	320		S. cerevisiae
253	Enp	N	800	349	375	320	350	S. cerevisiae
254	Enp	N	800	349	375	320	350	S. cerevisiae
255	Enp	N	800	349	375	320	350	S. cerevisiae
256	Enp	N	800	349	375	320	350	S. cerevisiae
257	Enp	Y	500		300	500	275	Candida
258	Enp	N	500		300	500		Candida
259	Enp	Y	800	349	300	500		Candida
260	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
261	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
262	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
263	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
264	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
265	Enp	N	900	150	375	320	350	S. cerevisiae
266	Enp	N	900	150	375	320	350	S. cerevisiae
267	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
268	Enp	Y	450		150	320		Pichia
269	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
270	Enp	N	900	150		320		S. cerevisiae
271	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae
272	Enp	N	900	150	375	320		S. cerevisiae

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
273	Enp	Y	900	150	300	320		<i>S. cerevisiae</i>
274	Enp	N	900	150	375	320		<i>S. cerevisiae</i>
275	Enp	N	900	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
276	Enp	N	800	150	375	320		<i>S. cerevisiae</i>
277	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
278	Enp	Y	500		250	500	250	Candida
279	Enp	N	800	150	375	320		<i>S. cerevisiae</i>
280	Enp	N	800	150	375	320		<i>S. cerevisiae</i>
281	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
282	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
283	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
284	Enp	Y	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
285	Enp	Y	800	150	300	800	400	<i>Torulasporea delbrueckii</i>
286	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
287	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
288	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
289	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
290	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
291	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
292	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
293	Enp	Y	800	150	300	800	400	<i>Torulasporea delbrueckii</i>
295	Enp	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
313	End	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
314	End	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
315	End	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
316	End	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
317	End	Y	500		300	500	270	Candida
318	End	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
319	End	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
320	End	Y	500		300	500	250	Candida
321	End	Y	500		300	500	250	Candida
322	End	N	1000	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
323	End	Y	500		150	300	250	<i>Pichia</i>
324	End	Y	500		150	300	250	<i>Pichia</i>
325	End	Y	600		300	500	300	Candida
326	End	Y	600		650	500	300	Candida
327	End	N	800	150	375	320	350	<i>S. cerevisiae</i>

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
328	End	Y	600		300	500	300	Candida
329	End	Y	600		300	500	300	Candida
330	End	N	750	150	375	320	350	S. cerevisiae
331	End	N	750	150	375	320	350	S. cerevisiae
332	End	N	750	150	375	320	350	S. cerevisiae
333	End	Y	600		300	500	300	Candida
334	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
335	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
340	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
340	ENd	Y	800	150	//	//	//	?
341	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
341	ENd	N	800	150	//	//	//	?
342	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
343	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
344	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
345	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
346	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
347	End	N	800	nv	375	320	350	S. cerevisiae
348	End	N	800	nv	375	320	350	S. cerevisiae
349	End	N	800	150	375	320	350	S. cerevisiae
350	End	N	800	nv	375	320	350	S. cerevisiae
351	End	Y	500		300	500	300	Candida
352	End	N	900	90				nv
353	ENd	N	900	150				nv
354	ENd	Y	650	150				nv
355	ENd	N	900	nv				nv
356	ENd	Y	500					nv
357	ENd	N	900	150				nv
358	ENd	Y	600					nv
359	ENd	N	900	150				nv
360	ENd	Y	600					nv
361	ENd	N	750	150				nv
362	ENd	N	750	90				nv
363	ENd	N	900	150				nv
364	ENd	N	750	150				nv
365	ENd	N	750	150				nv
366	ENd	Y	500					nv

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	Hinfi	Species
367	END	N	750	150				nv
368	END	Y	500					nv
369	END	Y	500					nv
370	END	N	750	150				nv
371	Eng	Y	500					nv
372	Eng	Y	500					nv
373	Eng	Y	450					nv
374	Eng	Y	500					nv
375	Eng	Y	500					nv
377	Eng	Y	500					nv
381	Eng	Y	450					nv
382	Eng	Y	450					nv
383	Eng	Y	500					nv
384	Eng	Y	600					nv
385	Eng	Y	650	150				nv
389	Eng	N	750	1000				nv
390	Eng	N	500					nv
392	Eng	Y	750	150				nv
393	Eng	Y	500					nv
394	Eng	Y	500					nv
395	Eng	Y	750	90				nv
396	Eng	Y	750	1000				nv
397	Eng	Y	750	1000				nv
398	Eng	Y	750	1000				nv
399	Eng	Y	750	1000				nv
400	Eng	Y	650	150				nv
401	Eng	Y	750	150				nv
402	Eng	Y	650	150				nv
403	Eng	Y	750	150				nv
403	Eng	Y	750	150				nv
405	Eng	Y	450					nv
406	Eng	Y	650	150				nv
409	Eng	N	450					nv
410	Eng	N	800	150				nv
411	Eng	N	800	150				nv
412	Eng	N	800	150				nv
413	Eng	N	800	150				nv

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	Hinfi	Species
414	Eng	N	800	150				nv
415	Eng	N	800	150				nv
416	Eng	N	650	150				nv
417	Eng	N	450					nv
418	Eng	Y	450					nv
419	Eng	Y	450					nv
420	Eng	Y	450					nv
421	Eng	Y	450					nv
422	Eng	Y	450					nv
424	Eng	Y	450					nv
425	Eng	N	450					nv
426	Eng	N	450					nv
427	Eng	Y	450					nv
428	Eng	N	450					nv
429	Eng	N	450					nv
430	Eng	N	800	150				nv
431	Eng	Y	450					nv
432	Eng	Y	500					nv
433	Eng	N	500					nv
434	Eng	Y	750	150				nv
437	Eng	N	800	150				nv
438	Eng	N	800	150				nv
439	Eng	Y	650	150				nv
440	Eng	N	500					nv
446	Eng	N	800	150				nv
459	IM	N	1000	150	350	320	350	S. cerevisiae
460	IM	N	1000	150			350	S. cerevisiae
461	IM	N	600		350	600	350	Pichia
462	IM	N	500		250		200	?
463	IM	N	600					nv
464	IM	N	600		350		350	Pichia
465	IM	N	1000	1000			350	?
466	IM	N	1000	150			350	S. cerevisiae
467	IM	Y	550				300	?
468	IM	Y	1000	150			350	?
469	IM	N	500					nv
470	IM	Y	500		250	500	300	?

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR-product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinFI	Species
471	IM	N	1000	150			350	<i>S. cerevisiae</i>
472	IM	N	850	150			300	<i>S. cerevisiae</i>
473	IM	N	1000	349		375		?
474	IM	N	1000	150	350	320	350	<i>S. cerevisiae</i>
475	IM	N	750	150				inv
476	IM	N	550		200	600	200	?
477	IM	N	750	150			300	<i>S. cerevisiae</i>
478	IM	N	550					inv
479	IM	N	550				400	?
480	IM	N	550		500	600	350	?
481	IM	N	750	inv	350		350	?
482	IM	N	1000	1000			300	?
483	IM	N	5000	1000			350	?
484	IM	N	1000	1000			350	?
485	IM	N	1000	150				inv
486	IM	N	1000	150				inv
488	IM	N	550					inv
489	IM	N	1000	150				inv
490	IM	N	1000	90				inv
491	IM	N	550					inv
492	IM	N	750	150				inv
493	IM	N	1000	150				inv
494	IM	N	1000	150				inv
495	IM	N	1000	150				inv
496	IM	N	500					inv
497	IM	N	1000	150				inv
498	IM	N	1000	150				inv
499	IM	N	500					inv
500	IM	N	500					inv
501	IM	Y	450					inv
502	IM	N	1000	150				inv
503	IM	N	1000	150				inv
504	IM	Y	450					inv
505	IM	N	1000	150				inv
506	IM	N	1000	150				inv
520	IM	N	750	150				inv
533	IM	N	inv					inv

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR-product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
537	IM	N	500					nv
538	IM	N						nv
539	IM	Y	900	150				nv
542	IM	Y	900	150				nv
543	IM	N	900	150				nv
544	IM	N	900	150				nv
545	IM	N	900	150				nv
546	IM	Y	900	150				nv
547	IM	N	900	150				nv
548	IM	N	900	150				nv
549	IM	N	900	150				nv
550	IM	Y	900	349				nv
551	IM	N	900	150				nv
552	IM	N	650	150				nv
553	IM	Y	500					nv
554	IM	N	700	300				nv
603	KG	Y	650	800	360	700	365	C. apicola
604	KG	N	850	800	385	320	365	S. cerevisiae
605	KG	Y	500		360	370	300	K. blattae? P. jadiniii?
606	KG	Y	900	150	nv	nv	nv	nv
607	KG	Y	650	150	360	700	365	C. apicola? C. boicnii
608	KG	N	900	349	nv	nv	nv	nv
609	KG	Y	900	150	nv	nv	nv	nv
610	KG	N	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
611	KG	N	900	150	nv	nv	nv	nv
612	KG	N	750	500	360	320	365	S. cerevisiae
613	KG	Y	400		300	320	250	P. membranaefaciens??
614	KG	N	750	150	360	320	365	S. cerevisiae
615	KG	Y	400		300	320	250	P. membranaefaciens??
616	KG	Y	750	150	300	320	365	S. cerevisiae
617	KG	N	750	150	360	320	nv	S. cerevisiae
618	KG	N	700	150	360	320	365	S. cerevisiae
619	KG	N	400		300	320	250	P. membranaefaciens?
620	KG	Y	700	150	360	320	365	S. cerevisiae?
671	KG	N	700	150	360	320	365	S. cerevisiae ????
672	KG	N	400		300	320	250	P. membranaefaciens?
673	KG	Y	750	150	360	320	365	S. cerevisiae?

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
674	KG	N	900	nv	nv	nv	nv	nv
675	KG	N	600		300	700	365	C. apicola
676	KG	Y	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
677	KG	N	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
679	KG	N	650	150	300	700	365	C. apicola
680	KG	Y	900	349	360	320	360	Saccharomyces
681	KG	N	900	150	nv	nv	nv	nv
683	KG	N	900	349	360	320	365	Saccharomyces
684	KG	Y	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
685	KG	N	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
686	KG	N	800	150	300	700	365	C. apicola
687	KG	Y	750	150	360	nv	nv	nv
687	KG	N	800	349	360	320	365	Saccharomyces
688	KG	Y	800	150	360	320	250	S. cerevisiae
689	KG	N	800	150	nv	320	365	S. cerevisiae
690	KG	Y	500		300	700	365	C. apicola
691	KG	Y	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
693	KG	Y	750	150	360	nv	nv	nv
694	KG	N	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
695	KG	N	900	150	360	nv	365	S. cerevisiae
696	KG	Y	800	150	360	320	250	S. cerevisiae
697	KG	N	800	150	360	320	365	S. cerevisiae
698	KG	N	500		360	320	nv	S. cerevisiae
699	KG	Y	800	150	360	320	nv	S. cerevisiae
701	LG	N	500		175	330	270	Pichia
702	LG	N	500		90	330	nv	?
703	LG	N	500		175	330	270	Pichia
704	LG	N	600		320	490	325	Candida
705	LG	N	500		175	330	270	Pichia
706	LG	Y	500		175	490	270	Contamination
707	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
708	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
709	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
710	LG	Y	500		nv	330	nv	nv
711	LG	Y	500		175?	330	270	Pichia
712	LG	Y	500		175?	330	270	Pichia
713	LG	Y	500		175?	330	270	Pichia

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
714	LG	N	500		175?	330	270	Pichia
715	LG	Y	500		175?	330	270	Pichia
716	LG	Y	500		nv	nv	nv	nv
717	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
718	LG	N	750	150	320	320	365	S. cerevisiae
719	LG	N	500		175	330	270	Pichia
720	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
721	LG	N	500		175	330	270	Pichia
722	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
723	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
724	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
725	LG	N	500		175	330	270	Pichia
726	LG	N	500		175	330	270	Pichia
727	LG	N	500		175	330	270	Pichia
728	LG	N	500		175	330	270	Pichia
729	LG	N	500		175	330	270	Pichia
730	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
731	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
732	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
733	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
734	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
735	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
736	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
737	LG	N	500		175	330	270	Pichia
738	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
739	LG	N	500		175	330	270	Pichia
740	LG	N	500		nv	nv	100	nv
741	LG	N	500		175	330	270	Pichia
742	LG	N	600		175	330	270	Pichia
743	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
744	LG	Y	500		175	330	270	Pichia
745	LG	N	500		270	330	270	Pichia
746	LG	Y	600		nv	330	nv	nv
747	LG	N	700	150	175	320	270	S. cerevisiae
748	LG	Y	500	349	175	330	270	Pichia
749	LG	Y	700	1000	270	330	290	Saccharomyces
750	LG	Y	700		270	400	300	Candida

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
751	LG	N	600		nv	nv	nv	nv
752	LG	Y	650	150	270	320	300	S. cerevisiae
754	LG	Y	700	1000	270	400	300	Candida
755	LG	Y	600		270	500	290	Candida
756	LG	Y	650	150	270	320	300	S. cerevisiae
757	LG	Y	500		270	500	290	Candida
758	LG	N	600		nv	nv	nv	nv
759	LG	Y	500		290	500	270	Candida
760	LG	Y	600		300	400	300	Candida
761	LG	Y	500		290	500	270	Candida
762	LG	Y	650	150	300	320	300	S. cerevisiae
763	LG	N	500		290	500	270	Candida
764	LG	N	600		nv	nv	nv	nv
765	LG	Y	500		nv	nv	nv	nv
766	LG	Y	650	150	nv	320	nv	S. cerevisiae
767	LG	N	500		nv	400	nv	nv
768	LG	Y	600		nv	nv	nv	nv
769	LG	N	500		nv	400	270	Candida
770	LG	Y	500		300	400	300	Candida
771	LG	N	550		290	500	270	Candida
772	LG	N	800	349	290	500	270	?
773	LG	N	600		nv	nv	nv	nv
774	LG	Y	700	150	385	320	325	S. cerevisiae
775	LG	Y	500		300	400	300	Candida
776	LG	N	750	500	385	320	325	S. cerevisiae
777	LG	Y	500		300	400	325	Candida
778	LG	N	750	150	385	320	375	S. cerevisiae
779	LG	N	400		170	330	270	Pichia
780	LG	N	400		nv	340	nv	nv
781	OS	N	450				300	nv
782	OS	N	750	150	350		375	S. cerevisiae
783	OS	Y	500		180	500	300	Kluyveromyces
784	OS	N	750	150	350	300	nv	S. cerevisiae
785	OS	N	400		400		nv	nv
786	OS	Y	400		nv	500	375	Candida
787	OS	N	400		400	500	200	Kluyveromyces
788	OS	N	750	150	350		375	S. cerevisiae

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
789	OS	Y	500		200	500	200	Candida
790	OS	N	750	800		320	375	S. Paradoxus
791	OS	Y	500		200	500	300	Kluyveromyces
792	OS	N	400		400		375	Candida
793	OS	N	400		400	320	nv	Candida
794	OS	N	750	150	350	320	nv	S. cerevisiae
795	OS	N	400		400	320	nv	Candida
796	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
797	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
798	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
799	OS	Y	500		200	500	300	Kluyveromyces
800	OS	N	400		400	320	nv	?
801	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
802	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
803	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
804	OS	Y	400		400	500	200	Pichia
805	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
806	OS	Y	400		400	400	200	Candida
807	OS	Y	400		nv	500	nv	nv
808	OS	N	750	150	350	320	375	S. cerevisiae
809	OS	Y	600		300	500	nv	?
810	OS	N	800	150	400	320	400	S. cerevisiae
811	OS	N	1000	400	350	320	200	Saccharomyces
812	OS	Y	500		400	400	200	Candida
813	OS	N	800	349	400	400	375	Saccharomyces
814	OS	Y	700	150	300	320	400	Saccharomyces cerevisiae
815	OS	N	1000	150	400	320	nv	S. cerevisiae
816	OS	N	1000	150	400	320	400	S. cerevisiae
817	OS	N	1000	500	400	320	300	S. Mikatae
818	OS	Y	700	150	350	400	nv	Saccharomyces
819	OS	Y	550		400	400	200	Candida
820	OS	Y	650	150	500	400	400	Candida
821	OS	N	1000	90	400	320	nv	Saccharomyces
822	OS	N	800	150	nv		nv	nv
823	OS	N	800	150	500	320	nv	S. cerevisiae
824	OS	N	800	150	500	320	nv	S. cerevisiae
826	OS	Y	500		500	400	nv	Candida

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
827	OS	Y	500		500	400	300	Candida
828	OS	N	600		400	500	400	Candida
829	OS	Y	1000	150	400	320	nv	S. cerevisiae
830	OS	N	800	nv	nv	nv	400	nv
831	OS	N	1000	150	350	320	400	S. cerevisiae
832	OS	N	1000	150	350	320	nv	S. cerevisiae
833	OS	N	750	150	400	320	nv	S. cerevisiae
834	OS	N	800	150	400	320	400	S. cerevisiae
835	OS	N	1000	150	350	320	nv	S. cerevisiae
836	OS	Y	650	150	400	nv	300	?
837	RV	N	500		290	440	280	Candida
838	RV	N	750	150	385	320	365	S. cerevisiae
839	RV	Y	500		175	320	275	Candida
841	RV	N	500		175	320	275	Candida
842	RV	Y	750	150	385	320	365	S. cerevisiae
843	RV	Y	1000	349	270	440	280	Candida
844	RV	Y	500		270	440	280	Candida
845	RV	N	500		270	440	280	Candida
845	RV	Y	500		175	300	275	Candida
846	RV	Y	375		220	350	230	Pichia
847	RV	Y	500		175	300	275	Candida
849	RV	N	500		270	400	280	Candida
850	RV	N	750	150	385	320	365	S. cerevisiae
851	RV	Y	500		250	300	275	Candida
852	RV	Y	500		270	400	280	Candida
853	RV	Y	500		175	250	550	
854	RV	N	500		nv	400	nv	nv
855	RV	Y	500		270	400	nv	Candida
856	RV	N	375		175	300	275	Pichia
857	RV	Y	500		270	400	nv	Candida
858	RV	Y	500		270	500	340	Candida
859	RV	Y	500		270	400	310	Candida
860	RV	Y	375		175	300	275	Pichia
861	RV	Y	375		175	300	275	Pichia
862	RV	N	375		175	300	275	Pichia
863	RV	Y	375		175	300	nv	Pichia
864	RV	Y	500		270	450	310	Candida

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
865	RV	Y	375		175	300	275	Pichia
866	RV	Y	700	150	260	320	230	Saccharomyces
867	RV	Y	500		260	320	365	S. cerevisiae
868	RV	N	nv		290			nv
869	RV	Y	500		nv	nv	nv	nv
870	RV	Y	500		260	500	230	Candida
871	RV	N	500		280	500	270	Candida
872	RV	Y	500		280	500	270	Candida
873	RV	N	700	150	280	320	270	S. cerevisiae
874	RV	N	700	150	280	320	270	S. cerevisiae
875	RV	N	700	150	385	320	365	S. cerevisiae
876	RV	N	700	150	385	320	365	S. cerevisiae
877	RV	Y	500		280	500	270	candida
878	RV	N	1000	150	385	320	365	S. cerevisiae
879	RV	N	1000	90	385	nv	365	Saccharomyces
880	RV	N	1000	500	385	320	365	S. cerevisiae
881	RV	N	1000	nv	385	320	365	S. cerevisiae
882	RV	Y	600		nv	nv	nv	nv
883	RV	N	1000	?	350	320	270	Saccharomyces
884	RV	Y	600		385	320	365	S. cerevisiae
885	RV	N	450		280	450	270	Candida
886	RV	N	1000	nv	nv	nv	nv	nv
887	RV	Y	600		385	320	365	S. cerevisiae
888	RV	Y	600		280	450	270	Candida
889	RV	Y	600		260	320	230	Candida
890	RV	N	750	150	385	320	365	S. cerevisiae
891	RV	Y	500		nv	nv	nv	nv
892	RV	Y	500		280	450	270	Candida
893	RV	N	nv		280	450	270	Candida
894	RV	N	nv		nv	nv	nv	nv
895	RV	Y	800	?	nv	nv	nv	nv
896	RV	Y	500		nv	550	nv	nv
897	RV	Y	500		320	450	250	Candida
898	RV	Y	400		280	450	270	Candida
899	RV	Y	300		280	nv	270	Candida
900	RV	Y	400		nv	nv	nv	nv
901	RV	N	300		nv	nv	nv	nv

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
902	RV	Y	500		nv	nv	nv	nv
903	RV	N	500		nv	450	nv	nv
904	RV	N	800	?	380	320	360	<i>S. cerevisiae</i>
905	RV	Y	500		280	450	270	Candida
906	RV	Y	500		385	450	365	Candida
907	RV	Y	450		280	450	270	Candida
908	RV	Y	450		280	320	270	Candida
909	RV	Y	500		260	320	250	Candida
910	RV	Y	500		260	450	250	Candida
911	RV	N	450		280	450	270	Candida
912	RV	Y	500		280	320	270	Candida
913	RV	N	800	200	380	320	360	<i>S. cerevisiae</i>
914	TB1	Y	500		500	450	270	Candida
915	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
916	TB1	Y	500			450	90	?
917	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
918	TB1	Y	500			90	90	nv
919	TB1	N	500		250	450	270	Candida
920	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
921	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
922	TB1	N	500		250		270	Candida
923	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
923	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
925	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
926	TB1	N	500		250		nv	nv
927	TB1	Y	500		250	450	nv	nv
928	TB1	N	500		250	450	270	Candida
929	TB1	Y	500		250	400	270	Candida
930	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
931	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
932	TB1	Y	500				nv	nv
933	TB1	Y	500		300	500	270	?
934	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
935	TB1	N	500				nv	nv
936	TB1	N	500		250	450	270	Candida
937	TB1	Y	500				nv	nv
938	TB1	Y	500				nv	nv

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
939	TB1	Y	500		250	450	270	Candida
940	RV	N	500		250		270	Candida
940	TB1	Y	500					nv
941	TB1	N	500					nv
942	TB1	N	500		250	500	270	Candida
943	TB1	Y	500		250	500	270	Candida
944	TB1	Y	500		250	500	nv	Candida
945	TB1	Y	800	150		nv	330	nv
946	TB1	N	800	180	290	500	330	Candida
947	TB1	N	900	150	290	500	270	Candida
948	RV	Y	800	150	280	500	330	Candida
948	TB1	Y	500			500	270	Candida
949	TB1	N	500				330	nv
950	TB1	N	1000	150	350	320	330	Saccharomyces
951	TB1	N	700	150	250	500	270	Candida
952	TB1	N	700	150		500	270	Candida
952	TB1	N	1000	150	350	320	330	Saccharomyces
954	TB1	N	900	150			nv	nv
955	TB1	N	700	150	250		270	Candida
956	TB1	N	700	150	250		270	Candida
957	TB1	Y	700	150	250		270	Candida
958	TB1	N	700	150	250		270	Candida
959	TB1	N	700	150	250		270	Candida
960	TB1	N	700	150		500	nv	nv
961	TB1	N	900	150			270	?
962	TB1	Y	600		150	300	270	Pichia
963	TB1	N	900	150			nv	nv
964	TB1	N	450				nv	nv
965	TB1	N	450				350	nv
966	TB1	N	1000	150	350	320	350	Saccharomyces
967	TB1	N	850	150				nv
968	TB1	N	500		nv	320	nv	nv
969	TB1	N	500		300		nv	nv
970	TB1	N	450		300		nv	nv
971	TB1	N	500		150	300	270	Pichia
972	TB1	Y	500		nv		nc	nv
973	TB1	Y	500		nv	500	nc	nv

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR-product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinfI	Species
974	TB1	N	900	150	nv		nc	nv
975	TB1	N	900	150	nv		nc	nv
976	TB1	N	500		350		330	?
977	TB1	N	nv		300		270	?
978	TB1	N	1000	150	250		400	?
979	TB1	N	500		350	320	330	Saccharomyces
980	TB1	Y	500		nv		nc	nv
981	TB1	N	900	150	280		270	?
982	TB1	Y	500		350		330	Candida
983	TB1	Y	650	150	nv	500	nv	nv
984	TB1	N	500		150		270	Pichia
985	TB1	Y	650	150	250		250	?
986	TB1	Y	500		200		220	?
987	TB1	Y	500		350	500	330	?
988	TB1	N	500		150		270	Pichia
989	TB1	N	900	150	300		330	S. cerevisiae
990	TB1	N	500		150		270	Pichia
991	TB1	Y	900	150	nv	500	nv	nv
992	TB1	Y	500					nv
993	TB1	Y	650	150				nv
994	TB2	N	650	150				nv
995	TB2	Y	900	150				nv
996	TB2	Y	900	150				nv
997	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
998	TB2	N	750	?	350	320	350	S. cerevisiae
999	TB2	N	750	?	350	320	350	S. cerevisiae
1000	TB2	N	750	?	350	320	350	S. cerevisiae
1001	TB2	N	500		250	500	300	Candida
1002	TB2	N	650	150				nv
1003	TB2	Y	900	150				nv
1004	TB2	N	750	?	350	320	350	S. cerevisiae
1005	TB2	N	750	150	350		350	S. cerevisiae
1006	TB2	N	900	150	350	320	350	S. cerevisiae
1007	TB2	N	900	150	350	320	350	S. cerevisiae
1008	TB2	N	700	450?	350	320	350	S. cerevisiae
1009	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1011	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae

ID	Isolation.location	Lysine growth	PCR.product.length	Multiplex.PCR	HhaI	BsuRI	HinFI	Species
1012	TB2	Y	750	150	200	320	200	Saccharomyces
1013	TB2	N	900	150	350	320	350	S. cerevisiae
1014	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1015	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1016	TB2	Y	750	150	350	320	350	nv
1017	TB2	N	900	?				nv
1018	TB2	N	900	150		320	350	S. cerevisiae
1019	TB2	N	650	150	350	320	350	S. cerevisiae
1020	TB2	N	900	150	350	320	350	S. cerevisiae
1021	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1022	TB2	N	800	150	350	320	350	S. cerevisiae
1023	TB2	N	500		350	320	350	S. cerevisiae
1024	TB2	Y	800	150				nv
1025	TB2	N	750	90				nv
1026	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1027	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1028	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1029	TB2	N	750	349	350	320	350	S. cerevisiae
1030	TB2	N	800	150	350	320	350	S. cerevisiae
1031	TB2	N	750	150	350	320	350	S. cerevisiae
1032	TB2	Y	750	?	350	320	350	S. cerevisiae
1033	TB2	Y	750	150				nv
1034	TB2	Y	750	150				nv
1035	TB2	Y	750	150				nv
1036	TB2	Y	750	150				nv
1037	TB2	Y	750	150				nv